

Allegato alla domanda di partecipazione
Curriculum formativo, didattico, scientifico e professionale del candidato

Dichiarazione sostitutiva di certificazioni

(Art. 46, D.P.R. 28 dicembre 2000 n. 445)

Dichiarazione sostitutiva dell'atto di notorietà

(da sottoscrivere davanti all'impiegato addetto o da presentare o spedire con la fotocopia di un documento di identità)

(Art. 47, D.P.R. 28 dicembre 2000 n. 445)

Estremi del bando di selezione	Assegno di Ricerca, ai sensi dell'art. 22 della L. 30/12/2010, n. 240 - Tipo B - (D.R. n. 209 del 26.02.2021). Titolo del Progetto: "Studio computazionale di sistemi di efflusso batterici" - Area: 02 - Scienze fisiche - Settore Concorsuale: 02/B2-Fisica teorica della materia – SSD: FIS/03 - Responsabile Scientifico: Dott. Giuliano Mallocci – Assegnista: Dott.ssa Silvia Gervasoni	
Informazioni aggiornate al	26/04/2021	
Nome e Cognome	Silvia Gervasoni	
Data di nascita	08/01/1991	

Si raccomanda di indicare con precisione tutti gli elementi valutabili ai sensi del bando di selezione (aggiungere o togliere righe secondo necessità).

Esperienza professionale

Periodo	Ente	Principali attività e responsabilità
11/2020-04/2021	Università degli Studi di Milano Drug Design Laboratory	Assegnista di tipo B Progetto: "Optimization and validation of a specifically designed platform for high performance virtual screening (HPC) applied to polypharmacology and drug repositioning"
10/2017-01-2021	Università degli Studi di Milano Drug Design Laboratory	Studente di dottorato Titolo della tesi: "Computational approaches to study metalloproteins and zinc-containing systems"
02/2017-07/2017	Università degli Studi di Milano Drug Design Laboratory	Borsista/ Laureata frequentatrice

Istruzione, formazione (es. titoli di studio, certificazioni professionali/linguistiche/informatiche)

Data	Titolo / Principali tematiche	Ente
01/2021	Dottorato di Ricerca in Scienze Farmaceutiche	Università degli Studi di Milano
02/2017	Laurea Magistrale in Biotecnologie del Farmaco	Università degli Studi di Milano
07-2014	Laurea Triennale in Biotecnologie	Università degli Studi di Milano-Bicocca

Pubblicazioni / Convegni

Manelfi C, Gossen J, Gervasoni S, Talarico C, Albani S, Philipp BJ, Musiani F, Vistoli G, Rossetti G, Beccari AR, Pedretti A. Combining Different Docking Engines and Consensus Strategies to Design and Validate Optimized Virtual Screening Protocols for the SARS-CoV-2 3CL Protease. *Molecules*. 2021, 26, 797. doi:10.3390/molecules26040797

Pedretti A, Mazzolari A, Gervasoni S, Vistoli G. Tree2C: A Flexible Tool for Enabling Model Deployment with Special Focus on Cheminformatics Applications. <i>Appl. Sci.</i> 2020, 10 (21), 7704. doi:10.3390/app10217704
Pedretti A, Mazzolari A, Gervasoni S, Fumagalli L, Vistoli G. The VEGA suite of programs: a versatile platform for cheminformatics and drug design projects. <i>Bioinformatics.</i> 2020. doi:10.1093/bioinformatics/btaa774
Cincinelli R, Musso L, Guglielmi MB, La Porta I, Fucci A, Luca D'Andrea E, Cardile F, Colelli F, Signorino G, Darwiche N, Gervasoni S, Vistoli G, Pisano C, Dallavalle S. Novel adamantyl retinoid-related molecules with POLA1 inhibitory activity. <i>Bioorg. Chem.</i> 2020, 104, 104253. doi:10.1016/j.bioorg.2020.104253
Mazzolari A, Gervasoni S, Pedretti A, Fumagalli L, Matucci R, Vistoli G. Repositioning Dequalinium as Potent Muscarinic Allosteric Ligand by Combining Virtual Screening Campaigns and Experimental Binding Assays. <i>Int. J. Mol. Sci.</i> 2020, 21 (17), 5961. doi:10.3390/ijms21175961
Gervasoni S, Vistoli G, Talarico C, Manelfi C, Beccari AR, Studer G, Tauriello G, Waterhouse AM, Schwede T, Pedretti A. A comprehensive mapping of the druggable cavities within the SARS-CoV-2 therapeutically relevant proteins by combining pocket and docking searches as implemented in Pockets 2.0. <i>Int. J. Mol. Sci.</i> 2020, 21 (14), 5152. doi:10.3390/ijms21145152
Gilardoni E, Gervasoni S, Maspero M, Dallanoce C, Vistoli G, Carini M, Aldini G, Regazzoni L. Development of a direct LC-ESI-MS method for the measurement of human serum carnosinase activity. <i>JPBA.</i> 2020, 189, 113440. doi:10.1016/j.jpba.2020.113440
Talarico C, Gervasoni S, Manelfi C, Pedretti A, Vistoli G, Beccari AR. Combining molecular dynamics and docking simulations to develop targeted protocols for performing optimized virtual screening campaigns on the hTRPM8 channel. <i>Int. J. Mol. Sci.</i> 2020, 21 (7), 2265. doi:10.3390/ijms21072265
Pedretti A, Mazzolari A, Gervasoni S, Vistoli G. Rescoring and Linearly Combining: A Highly Effective Consensus Strategy for Virtual Screening Campaigns. <i>Int J Mol Sci.</i> 2019, 20 (9), 2060. doi:10.3390/ijms20092060
Zuccolo M, Kunova A, Musso L, Forlani F, Pinto A, Vistoli G, Gervasoni S, Cortesi P, Dallavalle S. Dual-active antifungal agents containing strobilurin and SDHI-based pharmacophores. <i>Sci Rep.</i> 2019, 9 (1), 11377. doi:10.1038/s41598-019-47752-x
Soares Romeiro LA, da Costa Nunes JL, de Oliveira Miranda C, Simões Heyn Roth Cardoso G, de Oliveira AS, Gandini A, Kobrlova T, Soukup O, Rossi M, Senger J, Jung M, Gervasoni S, Vistoli G, Petralla S, Massenzio F, Monti B, Bolognesi ML Novel Sustainable-by-Design HDAC Inhibitors for the Treatment of Alzheimer's Disease. <i>ACS Med Chem Lett.</i> 2019, 10 (4), 671-676. doi:10.1021/acsmchemlett.9b00071
Bisceglia F, Seghetti F, Serra M, Zusso M, Gervasoni S, Verga L, Vistoli G, Lanni C, Catanzaro M, De Lorenzi E, Belluti F Prenylated Curcumin Analogues as Multipotent Tools To Tackle Alzheimer's Disease. <i>ACS Chem Neurosci.</i> 2019, 10 (3), 1420-1433. doi:10.1021/acchemneuro.8b00463
Vistoli G, Mantovani C, Gervasoni S, Pedretti A, Aldini G. Key factors regulating protein carbonylation by α,β unsaturated carbonyls: A structural study based on a retrospective meta-analysis. <i>Biophys Chem.</i> 2017, 230, 20-26. doi:10.1016/j.bpc.2017.08.002

Altre attività scientifiche

Presentazioni orali:

- Gervasoni S; "Application of computational chemistry in the drug discovery process: The case of metalloproteins"; HGS MathComp / 4EU+ Mathematical and Computational Methods in Science, 12th Annual Colloquium of the Heidelberg Graduate School of Mathematical and Computational Methods for the Sciences; 1-2 Dicembre 2020; Virtual event

- Gervasoni S, Spencer J, Hinchliffe P, Pedretti A, Mulholland A; “Multiscale approach to predict the binding mode of metallo β -lactamase inhibitors”; XXVI National Meeting in Medicinal Chemistry (NMMC); 16-19 Luglio 2019; Milano

Poster:

Gervasoni S, Spencer J, Hinchliffe P, Pedretti A, Mulholland A; “Multiscale approach to predict the binding mode of metallo β -lactamase inhibitors”

- EUROPIN Summer School on Drug Design; 15-20 Settembre 2019; Vienna
- German workshop on structural predictions of membrane proteins - From ion channels to G-protein coupled receptors; 26-27 Novembre 2019; Jülich

Gervasoni S, Mazzolari A, Morani F, Pedretti A, Vistoli G; “Structural insight into the effect of saccin mutation by MD simulation studies”

- Computationally Driven Drug Discovery Meeting (CDDD); 28-29 Marzo 2019, Roma
- CECAM school “Hybrid Quantum Mechanics / Molecular Mechanics (QM/MM) Approaches to Biochemistry and Beyond”; 8-12 Aprile 2019, Losanna

Milano, 26/04/2021