

**Allegato alla domanda di partecipazione**  
**Curriculum formativo, didattico, scientifico e professionale del candidato**

**Dichiarazione sostitutiva di certificazioni**

(Art. 46, D.P.R. 28 dicembre 2000 n. 445)

**Dichiarazione sostitutiva dell'atto di notorietà**

(da sottoscrivere davanti all'impiegato addetto o da presentare o spedire con la fotocopia di un documento di identità)

(Art. 47, D.P.R. 28 dicembre 2000 n. 445)

|                                |   |
|--------------------------------|---|
| Estremi del bando di selezione | AREA 02 - SCIENZE FISICHE - S.C. 02/D1-FISICA APPLICATA, DIDATTICA E STORIA DELLA FISICA - S.S.D. FIS/07 - Progetto: "STUDIO COMPUTAZIONALE DELL'INTERATTOMA DI PROTEINE" - Responsabile Scientifico: PROF. PAOLO RUGGERONE |
| Informazioni aggiornate al     | 13/07/2020  |
| Nome e Cognome                 | Francesco Oliva   |
| Data di nascita                | 05/10/1991  |

Si raccomanda di indicare con precisione tutti gli elementi valutabili ai sensi del bando di selezione (aggiungere o togliere righe secondo necessità).

**Esperienza professionale**

| Periodo                       | Ente                             | Principali attività e responsabilità  |
|-------------------------------|----------------------------------|---|
| Ottobre 2016 – Settembre 2019 | Università degli Studi di Milano | <b>Dottorato di Ricerca in Chimica Industriale.</b> Metodi di enhanced sampling applicati allo studio di peptide naturali e non naturali ed interazioni ligando-proteina.   |
| Mar-Ago 2018                  | Aarhus University                | <b>Visiting PhD student.</b> Studio del binding di glutammina al recettore $\gamma$ -Glutammiil Transpeptidasi utilizzando Accelerated Molecular Dynamics e relativo unbinding usando Random Accelerated Molecular Dynamics.                    |
| Feb-Lug 2020                  | Forschungszentrum Jülich         | <b>Postdoc.</b> Studio dell'effetto di single point mutations su coppie di proteine selezionate usando algoritmi di machine learning. Automatizzazione del processo di selezione delle isoforme, modellizzazione e valutazione delle mutazioni. |

**Istruzione, formazione (es. titoli di studio, certificazioni professionali/linguistiche/informatiche)**

| Data                          | Titolo / Principali tematiche   | Ente                             |
|-------------------------------|---|----------------------------------|
| Ottobre 2016 – Settembre 2019 | A computer aided excursus into molecular Biosystems / Metodi di enhanced sampling applicati allo studio di peptide naturali e non naturali ed interazioni ligando-proteina. | Università degli Studi di Milano |
| 2014-2016                     | Laurea Magistrale in Scienze chimiche   | Università degli Studi di Milano |

|  |  |  |
|--|--|--|
|  |  |  |
|  |  |  |

### **Pubblicazioni / Convegni**

|   |
|---|
| Oliva F., Bucci R., Tamborini L., Pieraccini S., Pinto A. and Pellegrino S. (2019). Bicyclic Pyrrolidine-Isoxazoline Amino Acid: A Constrained Scaffold for Stabilizing $\alpha$ -Turn Conformation in Isolated Peptides. <i>Front. Chem.</i> 7:133. doi:10.3389/fchem.2019.00133 |
| Gandini E., Dapiaggi F., Oliva F., Pieraccini S., and Sironi M. (2018). Well-Tempered MetaDynamics based method to evaluate universal peptidomimetics. <i>Chemical Physics Letters</i> , 706, 729-735. doi: 10.1016/j.cplett.2018.07.029  |
| Vidović N., Francescato P., Rabuffetti M., Sironi M., Oliva F., Pieraccini S. and Speranza G. Conformational studies on two FtsZ targeting cyclic peptides. <i>International Journal of Peptide Research and Therapeutics</i> , 1-7. doi: 10.1007/s10989-019-09962-9              |
| BIGCHEM second Autumn School: Computer-Aided Drug Discovery, Modena, Italy  |
| 47th IUPAC World Chemistry Congress, Paris, France  |
| EUROPIN Summer School on Drug Design, Vienna, Austria   |

### **Altre attività scientifiche**

|  |
|--|
|  |
|  |
|  |

### **Ulteriori informazioni pertinenti**

|  |
|--|
|  |
|  |
|  |

Luogo, data e firma  
Cagliari, 13/07/2020